



SEQUENCE LISTING

<110> El-Gewely, Mohamed Raafat
El-Gewely, Mohamed Raafat
Gardner, Rebecca

<120> Methods of screening molecular libraries and active molecules identified thereby

<130> MBHB-04-585 (59.68.75763/001)

<140> 10/502,510
<141> 2004-07-23

<150> PCT/GB03/00291
<151> 2003-01-23

<150> GB0201522.0
<151> 2002-02-23

<160> 53

<170> PatentIn version 3.3

<210> 1
<211> 21
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> secretion signal peptide

<400> 1

Met Glu Thr Asp Thr Leu Leu Trp Val Leu Leu Leu Trp Val Pro
1 5 10 15

Gly Ser Thr Gly Asp
20

<210> 2
<211> 49
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> transmembrane domain

<400> 2

Ala Val Gly Gln Asp Thr Gln Glu Val Ile Val Val Pro His Ser Leu
1 5 10 15

Pro Phe Lys Val Val Ile Ser Ala Ile Leu Ala Leu Val Val Leu

20

25

30

Thr Ile Ile Ser Leu Ile Ile Leu Ile Met Leu Trp Gln Lys Lys Pro
35 40 45

Arg

<210> 3
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> peptide derivative

<400> 3

Met Gly Trp Cys Thr
1 5

<210> 4
<211> 190
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> vector

<400> 4
ttgacgcaaa tggcggtag gcgtgtacgg tggaggctt atataaggcag agtcgttta 60
gtgaaccgtc agatctctag aagctggta ccagctgcta gcaagcttgc tagcggccgc 120
tcgaggccgg caaggccgga tccagacatg ataagataca ttgatgagtt tggacaaacc 180
acaactagaa 190

<210> 5
<211> 70
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> vector

<220>
<221> misc_feature
<223> N = A, C, G or T in equal molar ratio

<220>

```

<221> misc_feature
<223> K = G or T in equal molar ratio

<220>
<221> misc_feature
<222> (37)..(38)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (39)..(39)
<223> K = G or T in equal molar ratio

<220>
<221> misc_feature
<222> (40)..(41)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (42)..(42)
<223> K = G or T in equal molar ratio

<220>
<221> misc_feature
<222> (43)..(44)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (45)..(45)
<223> K = G or T in equal molar ratio

<400> 5
aagagctcggtaccaagaag gagtttacat atggannkn nknnktgata aggatccaag 60
cttgaattca 70

<210> 6
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> synthetic sequence

<400> 6
aagagctcggtaccaagaag gag 23

<210> 7
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

```

<223> synthetic sequence
<400> 7
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc

25

<210> 8
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 8
agagctcggt tagtgaaccg

20

<210> 9
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 9
gtggtttgtc caaactcatc

20

<210> 10
<211> 55
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<400> 10

ggtaccaaga aggagttac atatggatg gtgtacttga taaggatcca agctt

55

<210> 11
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 11
ctacctcagg cagctcaagc

20

<210> 12
<211> 20

```

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 12
agacagcacc ctcatcatgc                                20

<210> 13
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 13
tggtgctcat cttaatggcc                                20

<210> 14
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 14
tgacaaaacc taacttgcgc                                20

<210> 15
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 15
aaggcgttgtt aacaacgcag agtact                                26

<210> 16
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 16
aaggcgttgtt aacaacgcag agt                                23

```

```

<210> 17
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 17
atctaagctt gaggcttcag cccgggaatt ccag 34

<210> 18
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 18
atctaccgtt gccagcagtg gcgcgttcca acag 34

<210> 19
<211> 31
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 19
aataaaccgg gtcgccacca tggtagcaa g 31

<210> 20
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 20
aataatctag aacttgtaca gctcgatccat gccg 34

<210> 21
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

```

<400> 21
tcgtaaatca ctgcataatt cg 22

<210> 22
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 22
gtccataaccc ttttacgtg aa 22

<210> 23
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 23
gattagcggta tcctacctga cg 22

<210> 24
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 24
gccaggcaaa ttctgtttta tc 22

<210> 25
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 25
tcaggtcgaa aattatcgca ttat 24

<210> 26
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

```

<220>
<223> Primer

<400> 26
tcgccgtaat ggctagtcac atcc                                24

<210> 27
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 27
taatacgact cactataggg                                20

<210> 28
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 28
attaaccctc actaaag                                17

<210> 29
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 29
cgattacgcg tgaatctaac agcc                                24

<210> 30
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 30
ggctgttaga ttcacgcgta atcg                                24

<210> 31

```

<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 31		
cctgatgctg atgccagatg agcgc		25
<210> 32		
<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 32		
gcgctcatct ggcatcagca tcagg		25
<210> 33		
<211> 20		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 33		
gataatgtgc gcgtcgaata		20
<210> 34		
<211> 20		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 34		
tttgcgaaa cgcagatcgt		20
<210> 35		
<211> 20		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 35		
gtgtcgccct tattcccttt		20

<210> 36
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 36
ggcacctctc tcagcgatct 20

<210> 37
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 37
agcgaatacg tcttccgtca 20

<210> 38
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 38
gatggctgg ttcacatcgt 20

<210> 39
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<400> 39
atgggtttt ggaggtgata a 21

<210> 40
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<400> 40

Met Gly Phe Leu Arg
1 5

<210> 41
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> library sequence

<400> 41

Met Gly Phe Trp Arg
1 5

<210> 42
<211> 71
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<220>
<221> misc_feature
<223> N = A, T, G or C

<220>
<221> misc_feature
<223> K = G or T

<220>
<221> misc_feature
<222> (37)..(38)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (39)..(39)
<223> K = G or T

<220>
<221> misc_feature
<222> (40)..(41)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (42)..(42)
<223> K = G or T

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (43)..(44)
<223> n is a, c, g, or t

<220>
<221> misc_feature
<222> (45)..(45)
<223> K = G or T

<400> 42
aagagctcgg taccaagaag gagttacat atgggannkn nknkngata agatccaag      60
cttgaattca g                                71

<210> 43
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 43
aagagctcgg taccaagaag gag                                23

<210> 44
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 44
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc                                25

<210> 45
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Primer

<400> 45
agagctcggt tagtgaaccg                                20

<210> 46
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

```

<220>		
<223> Primer		
<400> 46		
gtggtttgtc caaactcatc	20	
<210> 47		
<211> 23		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 47		
aagagctcggtaccaagaag gag	23	
<210> 48		
<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> Primer		
<400> 48		
ctgaattcaa gcttggatcc ttatc	25	
<210> 49		
<211> 25		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> library sequence		
<400> 49		
caagcttgct agcagctggtaacc	25	
<210> 50		
<211> 84		
<212> DNA		
<213> Artificial Sequence		
<220>		
<223> library sequence		
<400> 50		
cctcgagctg ccgcttagcaa gcttggatcc ttatcaagta caccatccca tatgtaaact	60	
ccttcttggtaaccagcttc taga	84	

<210> 51
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Peptide

<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (2)..(2)
<223> Xaa = G or M or V

<400> 51

Met Xaa Trp Cys Thr
1 5

<210> 52
<211> 6
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> peptide

<400> 52

Met Gly Trp Cys Thr Lys
1 5

<210> 53
<211> 4
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> peptide

<400> 53

Trp Cys Thr Lys
1